



POSTERS

MC01 – “Cold stunning syndrome” o síndrome de hipotermia en tortugas marinas en el sur de Chile: Hallazgos clínicos y patológicos.

Mansilla, M.A.¹, Loyola, M.¹, Schifferli¹, C., Baez, C.¹, Chávez, H.¹

¹Centro de Rescate de Fauna, Facultad de Medicina Veterinaria, Universidad San Sebastián
Concepción.

miguel.mansilla@uss.cl

Objetivos: Describir el fenómeno “Cold Stunning Syndrome” o Síndrome de Hipotermia (SdH) en tortugas marinas rescatadas en costas de la Región del Bió bío (Chile). El SdH se refiere a la disminución de la temperatura corporal que sufren las tortugas marinas cuando son expuestas prolongadamente a corrientes oceánicas frías, ocasionándole hipotermia, aturdimiento y coma. Bajo estas condiciones las tortugas pierden su orientación cardinal, dejándose arrastrar a latitudes lejanas de su hábitat natural. **Materiales y métodos:** Estudio descriptivo de doce tortugas marinas, *Chelonia mydas* (5) y *Lepidochelys olivacea* (7), de ambos sexos y peso físico entre 5 - 52 kg. Se describen hallazgos clínicos, hematológicos y de necropsia en especies varadas o encontradas flotando con shock hipotérmico en costas de la Región del Bío Bío, rescatadas por el Servicio Nacional de Pesca. El estudio incluyó especies rescatadas entre abril y julio de los años 2006 al 2014, momento en el cual la temperatura del mar en la región osciló entre 8 y 12 grados C°. Las tortugas fueron trasladadas para su estabilización al Hospital Clínico Veterinario de la Universidad San Sebastián, Concepción. Se realizaron imágenes radiográficas y ecográficas, análisis hematológicos, bioquímica sanguínea y necropsia. **Resultados y Discusión:** entre los hallazgos se encontraron: lesiones dérmicas y del caparazón, deshidratación, hemorragias, mucosas pálidas, prolapso cloacal, papilomas y parasitismo externo. La hematología sanguínea reveló: anemia, linfopenia, trombocitopenia y hemoparásitos. La bioquímica clínica evidenció hipocalcemia, hipoglicemia, hipoproteinemia, hipoalbuminemia, hiperfosfatemia, aumento de enzimas AST, ALT, Fosfatasa Alcalina y del ácido úrico. Fallecieron cuatro ejemplares y los hallazgos de necropsia fueron: lesiones neumónicas y hepáticas, enteropatías, cardiomiopatías y hemorragias. Estos antecedentes son coincidentes con estudios realizados en el hemisferio norte. **Conclusión:** Las corrientes marinas frías producen hipotermia y efectos sistémicos en las tortugas, antecedentes que debieran ser considerados al instaurar una terapia de estabilización en estas especies.



MC03 – Caracterización molecular de *Cryptosporidium parvum* en pingüinos de Magallanes y papúa mediante secuenciación de *18s rdna*, *hsp90* y *cowp*.

Dougnac, C.¹, Arredondo, C.¹, Briceño, C.¹, Ábalos, P.¹, Retamal, P.¹, Díaz-Lee, A.¹, Fredes, F.¹

¹Departamento de Medicina Preventiva Animal, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile, Av. Santa Rosa 11735, La Pintana, Santiago.

catherine.dougnac@gmail.com

Objetivos: Caracterizar *Cryptosporidium parvum* obtenidos desde sphenisciformes utilizando *18s rDNA*, *Hsp90* y *CowP* para determinar su posible origen. **Materiales y métodos:** Considerando que las aves no se describen como hospederos de *Cryptosporidium parvum*, dos muestras de heces de sphenisciformes previamente positivas a este por amplificación de *18s rDNA* (~520pb): una de *Pygoscelis papua* (Antártica) y otra de *Spheniscus magellanicus* (Isla Magdalena, Estrecho de Magallanes) fueron confirmadas y analizadas mediante la amplificación y secuenciación de segmentos de *Hsp90* (~676pb) y *CowP* (~553pb). **Resultados y discusión:** Se confirmó mediante los tres genes la presencia de *C. parvum* en ambos sphenisciformes. El análisis comparativo con muestras chilenas permitió determinar, principalmente mediante *Hsp90*, que la muestra de *S. magellanicus* poseía mayor similitud genotípica con el aislado de terneros, mientras que el recuperado de *P. papua* presentaba mayor similitud con la muestra humana. Considerando estos resultados preliminares y el rol de los pingüinos como centinelas oceánicos, creemos que la presencia de *C. parvum* en estas colonias es un indicador de efecto antrópico en ambos ecosistemas, por ganadería en el caso de *S. magellanicus* y directamente humano para *P. papua*. Esta es una alerta temprana de transmisión interespecie, evidenciando la necesidad de mayor control en el manejo de residuos humanos. **Conclusión:** Esta es la primera descripción de *Cryptosporidium parvum* en pingüinos confirmando su rol como indicador de efecto antrópico.

Agradecimientos: CONAF, TurisOtway, Claudia Godoy, Olivia Blank y Patricio Toro. FONDECYT 1110255, INACH T-27-10.



MC04 – Enfermedades de las ratas silvestres (*Rattus rattus*) capturadas en isla Guafo, Patagonia norte de Chile.

Seguel M.¹, Muñoz F.², Paredes E.², Pavés H.², Schlatter R.² Gottdenker N.¹

¹Department of Pathology, College of Veterinary Medicine, University of Georgia, Athens, GA, USA. ²Instituto de Patología Animal, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile. ³Instituto de ciencias Marinas y Limnológicas, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile.

mseguel@uga.edu

Introducción: La rata negra (*Rattus rattus*) es reservorio de importantes enfermedades y es una especie invasora que se encuentra presente en numerosos ecosistemas alrededor del mundo. La Isla Guafo es una isla deshabitada en la Patagonia Norte del Océano Pacífico, que ha sido invadida por la rata negra. **Objetivos:** Evaluar los patógenos y lesiones asociadas a éstos, en las ratas de isla Guafo, con el fin de evaluar el riesgo de transmisión de enfermedades para las especies endémicas. **Materiales y métodos:** En los veranos de los años 2012 a 2014, doscientas diez ratas fueron capturadas, eutanasiadas y sometidas a necropsia completa. Muestras de la mayoría de los órganos y tejidos se procesaron rutinariamente para histopatología. **Resultados y discusión:** Se encontró dermatitis ulcerativa linfoplasmocítica con numerosos ácaros (*Ornithonyssus bacoti*) en 105 animales (50%). Sesenta y cinco ratas (31%) presentaron hepatitis piogranulomatosa multifocal con huevos de *Capillaria hepatica*, adicionalmente en 15 de estos individuos hubo co-infección con varios estrobilocerci de *Taenia taeniformis*. Se observó leve a moderada nefritis intersticial linfoplasmocítica en 63 ratas (30%) y en la mitad de estos casos antígeno de *Leptospira sp.* en los túbulos distales. En 100 ratas (48%) hubo enteritis linfoplasmocítica moderada. La histiocitosis alveolar fue común (86 ratas, 41%) y se asoció con leve infiltrado linfocitario perivascular. Sialoadenitis linfoplasmocítica intersticial leve con cuerpos de inclusión intranucleares, consistente con infección por citomegalovirus se observó en 6 ratas. **Conclusión:** La presencia de *T. taeniformis* estrobilocerci sugiere una amplia distribución de gatos asilvestrados en la isla ya que los felinos son el único hospedero definitivo de esta tenia. La mayoría de estos patógenos se podrían transmitir al ratoncito topo, una especie endémica (*Geoxus valdivianus*) y *Leptospira sp* podría ser de riesgo para las nutrias, lobos marinos y seres humanos.



MC06 - Comparación de los riesgos para la salud de humanos y nutrias marinas (*Enhidra luris nereis*) para la infección con *Cryptosporidium* y *Giardia* spp. en agua en California.

Adell A.^{1,2}, McBride G.³, Wuertz S.⁴, Conrad A.¹, Miller W.¹

¹One Health Institute and Department of Pathology, Microbiology and Immunology, School of Veterinary Medicine, One Shields Avenue, University of California, Davis, CA, 95616. ²Escuela de Medicina Veterinaria, Facultad de Ecología y Recursos Naturales, Universidad Andrés Bello, Republica 440, 8370251 Santiago, Chile. ³National Institute of Water and Atmospheric Research (NIWA), P.O. Box 11-115, Hillcrest, Hamilton, New Zealand. ⁴Department of Civil & Environmental Engineering, College of Engineering, University of California, Davis, CA, 95616.

aiko.adell@unab.cl

Objetivos: Determinar los riesgos para humanos y nutrias tras la exposición a *Cryptosporidium* y *Giardia* spp., cuando nadan en desembocaduras de ríos, aguas lluvias y alcantarillado en California. **Materiales y métodos:** Se realizó un análisis de riesgo microbiano cuantitativo (QMRA en inglés) para estimar el riesgo y un análisis de sensibilidad para identificar las variables del modelo que tienen mayor impacto sobre el resultado. **Resultados y discusión:** El modelo estimó una probabilidad de enfermedad (Pr_{enf}) de 5% con *Cryptosporidium* en niños que nadan en aguas lluvias. Probabilidades de infección (Pr_{inf}) con *Cryptosporidium* de 16% fueron estimadas para nutrias nadando en aguas lluvias, asumiendo la misma susceptibilidad de humanos. Para *Giardia*, Pr_{inf} de 11% y 23% fueron estimadas para nutrias nadando en alcantarillado, asumiendo la misma susceptibilidad de jerbos y humanos, respectivamente. En el análisis de sensibilidad, bacteroidales y la concentración de protozoos presentaron un impacto significativo sobre el resultado. **Conclusión:** Aguas lluvias y de alcantarillado contribuyen a un mayor riesgo para humanos y nutrias a infecciones con *Cryptosporidium* y *Giardia*. Bacteroidales y la concentración de protozoos en agua son importantes de considerar en futuros QMRA.



MC07 - Concentración plasmática de selenio en huemul (*Hippocamelus bisulcus*): posibles implicancias para conservación y manejo.

Corti, P.¹, Chihuailaf, R.H.², Stevenson, V.B.¹
pcorti@uach.cl

Objetivos: Determinar la concentración plasmática de selenio (Se) en una población de huemul con baja sobrevivencia de cervatillos (35%) y compararlas con información disponible en la literatura. **Materiales y métodos:** Se analizaron 11 muestras de plasma sanguíneo de huemules adultos de la Reserva Nacional Lago Cochrane, Patagonia chilena. La concentración plasmática de Se se determinó por espectrofotometría de absorción atómica a 196 nm, mediante generación de hidruros, previa digestión ácida de la muestra. La concentración fue expresada en nmol/L. Los valores reportados se compararon con el venado de cola blanca (*Odocoileus virginianus*) mediante la confección de intervalos, cuyos límites fueron el promedio \pm 2 D.E., estandarizando la información. **Resultados y discusión:** La metodología para medir Se plasmático no permitió cuantificar la concentración en las muestras de cuatro animales (<0,011 nmol/L). El rango concentración de las muestras fluctuó entre 215,2 y 1355,1 nmol/L con un intervalo calculado de 0,00-1617,1 nmol/L. Estos valores estuvieron dentro del intervalo calculado para venado cola blanca 0,00-1980,6 nmol/L. La dispersión de los datos sugiere una ingesta heterogénea de Se, no descartando las carencias. En muchas áreas del mundo, los forrajes tienen un contenido insuficiente de Se para satisfacer requerimientos del ganado y fauna, especialmente en suelos de origen volcánico. El huemul ha sobrevivido desde el Pleistoceno en hábitats dominados por suelos volcánicos por lo que puede estar adaptado a esas situaciones de carencia. Sin embargo, los datos proporcionados sólo sugieren una condición probable de un reducido número de huemules en una circunstancia singular. **Conclusión:** El huemul presenta una concentración plasmática de selenio semejante a lo informado para el ciervo cola blanca, no descartando situaciones de carencia. Recomendamos ampliar estos registros a otras poblaciones de huemul, incluyendo la concentración de minerales contenidos en forrajes mediante un muestreo estacional. Un mayor número de animales permitirá desarrollar intervalos de referencia en plasma de huemul.

Agradecimientos: D. Velásquez, D. Jara, R. Millacura, L. Solís, A. Sepúlveda, C. Rivera, y C. Saucedo por asistencia en las capturas de huemul. Permiso de captura emitido por SAG. Financiamiento Nacional Geographic Society. P. Corti fue financiado FONDECYT 3110187 y CONICYT 7912910016.



MC10 - Detección serológica de *Toxoplasma gondii* y serovares de *Leptospira* spp. en pumas (*Puma concolor*) y güiñas (*Leopardus guigna*) en cautiverio en el sur de Chile.

Dünner, C.F.¹, Pradenas, M.¹, Navarrete, M.J.¹

¹ Instituto de Patología Animal, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Austral de Chile. Laboratorio de Anatomía Patológica Veterinaria, Isla Teja, UACH, Valdivia. cfduner@gmail.com

Objetivos: Determinar la presencia de anticuerpos anti *Toxoplasma gondii* mediante el método de aglutinación indirecta en látex y a serovares Hardjo, Pomona, Canicola, Ballum, Icterohaemorrhagiae y Autumnalis de *Leptospira* spp. mediante la prueba de microaglutinación de microplaca en pumas (*Puma concolor*) y güiñas (*Leopardus guigna*) en cautiverio de dos centros de tenencia de fauna silvestre, en las Regiones de los Ríos y los Lagos, Chile. Además, caracterizar la presencia de estos anticuerpos según especie, edad, sexo y procedencia en los animales analizados. **Materiales y métodos:** Se obtuvo suero de 11 pumas y 3 güiñas, inmovilizados químicamente mediante una combinación de medetomidina (0,075 mg/kg) o dexmedetomidina (0,015 mg/kg) y ketamina (3 mg/kg), revertida con atipamezol (0,075 a 0,375 mg/kg). Para *T. gondii*, se utilizó un TOXOTEST-MT 'Eiken'®; para *Leptospira* spp. se aplicó la prueba microMAT para los serovares anteriormente nombrados. Los datos fueron analizados mediante estadística descriptiva usando Microsoft Excel® 2007. **Resultados y discusión:** Un total de 8/14 felinos resultaron seropositivos a *T. gondii* (7/11 pumas y 1/3 güiñas) con títulos desde 1:64 hasta 1:256. De los pumas, 5/7 correspondieron a adultos y 2/4 a juveniles; las güiñas presentaron 1/2 adultos reactivos. 3/4 pumas eran hembras y 4/7 machos; solo hubo 1/2 güiñas hembras positivas. Del centro 1, 2/7 felinos fueron seropositivos, del centro 2, 6/7. Para *Leptospira* spp., un total de 4/14 felinos presentaron anticuerpos, correspondiendo únicamente a pumas (4/11) con títulos de 1:100 para el serovar Autumnalis. De estos, 4/7 eran pumas adultos; 1/4 hembras y 3/7 machos. Se detectaron 2/7 felinos seropositivos según su procedencia en ambos centros. Los centros del estudio poseen condiciones que facilitan la transmisión de estos agentes patógenos, tales como el manejo alimentario y la infraestructura. **Conclusión:** Este trabajo constituye el único reporte en Chile asociado a la detección de estos patógenos en felinos en cautiverio. Esta información contribuye con la implementación de medidas preventivas de manejo para fauna silvestre en cautiverio, que resguardan la salud animal y refuerzan la importancia del control de patógenos zoonóticos de relevancia en salud pública.

Agradecimientos: Al Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre (CEREFAS) de la Universidad Austral de Chile, por su colaboración con los procedimientos realizados.

Al Centro de Reproducción de Fauna Silvestre "Senda Nativa Romahue" y al Fundo "Pichilumaco", por su disposición para la ejecución de este estudio.



MC11 - Determinación de la presencia serológica del virus distemper y parvovirus canino en quiques (*Galictis cuja*) silvestres en una población periurbana de Talagante.

Vidal E.¹, Moreira R.¹, Sotomayor F.¹

¹Universidad Santo Tomás (UST), Ejército 146, Santiago Centro.

vidalevelyn.a@gmail.com

Objetivos: Determinar la presencia serológica del virus distemper y parvovirus canino en quiques (*Galictis cuja*) silvestres en una población periurbana de la Región Metropolitana. **Materiales y métodos:** Se recolectaron 9 muestras sanguíneas de quiques silvestres adultos, en el área periurbana de la comuna de Talagante. Las muestras fueron centrifugadas para la obtención de suero a 4000 rpm. Se utilizó un kit comercial (Canine Vaccicheck®) para perros de detección de IgG (ELISA modificado) para virus distemper canino (VDC), virus hepatitis infecciosa canina (HIC) y parvovirus canino (PVC). Los resultados observados se clasificaron en negativos y positivos, y se expresan en términos de frecuencia y porcentaje. **Resultados y discusión:** De los 9 animales muestreados se encontró sólo un (1) ejemplar (11%) positivo a VDC, con un título de anticuerpos menor a 1:32. Además 2/9 (22%) de los animales muestreados presentaron resultados positivos para PVC, con un título de anticuerpos mayor a 1:80. Se discute que no obstante ser los mustélidos no susceptibles al PVC, podrían haber estado expuestos a este y generar una respuesta inmune específica de anticuerpos o estar enfrentando una reacción cruzada con virus panleucopenia felina, virus del cual se hipotetiza que podría haber surgido de un carnívoro silvestre y se adaptó al huésped canino como PVC-2. Los animales muestreados están en estrecho contacto con animales domésticos (perros y gatos), por lo que es probable que estén expuestos a los agentes mencionados. **Conclusión:** Se detectó evidencias serológicas de VDC y PVC en quiques silvestres.



MC12 - Determinación del estado de infección por *Mycobacterium avium* subsp. paratuberculosis (map) en alpacas (*Lama pacos*) manejadas en cautiverio en la zona centrosur de Chile.

Moreira R.¹, López O.¹, Pastene J.¹, Salgado, M.², Avilez, C.²

¹Universidad Santo Tomás (UST) Ejercito 146 Santiago. ²Laboratorio de Paratuberculosis, Universidad Austral de Chile.
rmoreira@santotomas.cl

Objetivos: Detectar la infección por MAP en una especie de camélidos sudamericano de vida cautiva, en regiones en donde la paratuberculosis bovina y caprina ha sido descrita previamente. **Materiales y métodos:** Se recolectó 68 muestras de material fecal, de 14 planteles de alpacas en semi-confinamiento, ubicadas entre las regiones de Coquimbo y de los Ríos. Se les aplicó una encuesta epidemiológica para caracterizarlas del punto de vista de factores de exposición a la infección. Las muestras de heces se recolectaron vía rectal, además de pools de muestras ambientales desde los estercoleros. Las muestras de heces fueron cultivadas en el sistema BACTEC-MGIT 960 para la detección de MAP. Los cultivos positivos fueron confirmados molecularmente como MAP por qPCR IS900. **Resultados y discusión:** Del total de muestras, trece mostraron cultivos positivos confirmados, pertenecientes a tres planteles de los catorce bajo investigación. Este estudio representa la evidencia de detección bacteriológica de MAP y aporta al diagnóstico de situación de PTBC de catorce (14) planteles de alpacas en cautiverio, cinco (5) de las cuales son las que habitualmente exportan ejemplares de alpacas a diversos mercados internacionales. Se discute que si bien ningún factor de riesgo de exposición demostró significancia, si se observó una tendencia en aquellos con ausencia de manejo de purines y el no tratamiento de estiércol. **Conclusión:** Se determinó infección por *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis* en tres planteles de alpacas, manejados en cautiverio, a través de cultivo bacteriológico de fecas en medio.

Agradecimientos: Financiado por Proyecto Interno N000012955, Universidad Santo Tomás.



MC13 - Diagnóstico coproparasitológico en huemules (*Hippocamelus bisulcus*), en tres valles del Parque Nacional Bernardo O'Higgins.

Durán K.¹, Castro V.¹, Moreira R.¹

¹Universidad Santo Tomás (UST). Ejército 146, Santiago Centro.

karladuran.al@hotmail.com

Objetivos: Evidenciar parásitos gastrointestinales en heces de huemules de tres valles del Parque Nacional Bernardo O'Higgins, Región de Aysén y Región de Magallanes y la Antártica Chilena, mediante tres técnicas. **Materiales y métodos:** Se colectaron 14 pooles de muestras de heces ambientales desde estercoleros de huemules, ubicados en tres valles del Parque Nacional Bernardo O'Higgins, a saber: Valle Huemul, Valle Katrasta y Valle Bernardo, las cuales se mantuvieron refrigeradas durante dos semanas, para su posterior análisis en el Laboratorio de Parasitología de la Universidad Santo Tomás, a través del Método de Teuscher, Método de Telemann Modificado y Tinción Ziehl-Nelsen. **Resultados y discusión:** La técnica de Teuscher, indicó que de 14 muestras, 12 salieron positivas a detección de parásitos, entre los cuales resaltan *Trichostrongylus spp.*, *Toxocara spp.*, y Estrongilideos. La técnica de Telemann Modificado, indicó que de 14 muestras, 3 fueron positivas a la detección de parásitos, siendo el *Trichostrongylus spp.*, el único observado. Finalmente la tinción de Ziehl Neelsen, no obtuvo resultados positivos a la presencia de parasitismo. La mayoría de los parásitos detectados, estaban en condiciones inviables, mientras que otros, se encontraban larvados; sugiriendo que los huemules estaban parasitados. Las familias de éstos parásitos, se caracterizan por afectar a ganado doméstico, sugiriendose una infección a través de éstos. **Conclusión:** Se evidenció la presencia de parásitos de tres familias distintas en poblaciones de huemules, pertenecientes al Parque Nacional Bernardo O'Higgins



MC15 - Ectoparasitismo en chincol *Zonotrichia capensis* (Muller, 1776) en cuatro eco-regiones del Norte Chico y centro de Chile.

Muñoz-Nova, B¹., Moreno, L²., Gonzalez-Acuña, D¹.

¹Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción, Chillán, Chile. ²Facultad de Ciencias Naturales y Oceanográficas, Universidad de Concepción, Concepción, Chile.

brmunoz@udec.cl

Introducción: Las aves silvestres son, en general, portadoras de diferentes especies parásitas, sin embargo las relaciones parásito-hospedador de muchas especies nativas de Chile no han sido estudiadas. **Objetivos:** determinar la fauna parasitaria del Chincol *Zonotrichia capensis* y detectar variaciones del parasitismo según eco-región y estación del año. **Materiales y métodos:** Para cumplir este objetivo, fueron capturados 277 ejemplares de chincol con redes niebla, entre Abril 2010 y Agosto 2013, en 7 localidades, representantes de 4 eco-regiones del norte chico y centro de Chile: Región mediterránea per-árida, Región mediterránea árida, Región mediterránea semi-árida y Región continental andina. Los ectoparásitos fueron recolectados manualmente y conservados en etanol 70%, luego fueron montados para su identificación. Finalmente, para cada eco-región y estación del año se calculó la tasa de infección, intensidad media y abundancia de los ectoparásitos, los cuales fueron comparados utilizando la prueba estadística de Chi-cuadrado. **Resultados y discusión:** Se recolectó 3.724 ectoparásitos, el 95,3% (n=3.552) correspondió a ácaros de las especies *Amerodectes zonotrichiae* (Mironov y González-Acuña, 2014) (87,9%) y *Trouessartia capensis* (Berla, 1959) (12,1%), 4,5% (n=170) a piojos de la especie *Philoaterus* sp. (Nitzsch, 1818) y 0,08% (n=3) a garrapatas de las especies *Amblyomma tigrinum* (Koch, 1844) e *Ixodes auritulus* (Neumann, 1904). La tasa de infección e intensidad media más alta de ácaros se registró en la eco-región Mediterránea semi-árida (35,6%-71,81) (p=0,037) y en las épocas de otoño (38,7%-43,31) e invierno (37,9%-70,96) (p=0,00). Para piojos, la mayor tasa de infección, abundancia e intensidad media se registraron en la época de invierno (34,8%-2,13-6,3) (p=0,00). La eco-región Mediterránea semi-árida registro la mayor tasa de infección y abundancia (33,3%-1,33), y la región Mediterránea árida la mayor intensidad media (7,61) (p=0,00). **Conclusión:** La tasa de infección, abundancia e intensidad media de ectoparásitos de Chincol difieren entre eco-regiones y estaciones. Las cinco especies de parásitos recolectados en este estudio representan el primer registro para el chincol y la especie *T. capensis*, es primer registro para Chile.

Agradecimientos: Proyecto Fondecyt1130948.



MC16 - Estructura poblacional de *Tadarida brasiliensis* en la Región Metropolitana de Chile y sus efectos en conservación y salud pública.

Canto, G.¹, Elizondo-Patrone, C.¹, Yung, V.², Escobar, L. E.^{1,3}, Medina-Voguel, G.¹ & Favi M.²

¹Facultad de Ecología y Recursos Naturales, Departamento de Ecología y Biodiversidad, Universidad Andres Bello, República 440, Santiago, Chile. ²Sección Rabia, Instituto de Salud Pública de Chile, Av. Maraton 1000, Ñuñoa, Chile. ³Center for Global Health and Translational Science, State University of New York Upstate Medical University, Syracuse, New York, USA.

gonzalocanto@icloud.com

Introducción: La especie de murciélago *Tadarida brasiliensis* ocupa una amplia distribución geográfica desde Estados Unidos hasta Chile. Su comportamiento social caracterizado por colonias de altas densidades y abundancias, colocan a la especie como un actor clave en los ecosistemas modernos por ser un depredador de insectos de en agricultura, además es reconocido reservorio del virus rabia. **Objetivos:** Conocer la estructura poblacional de *T. brasiliensis* en las comunas de la Región Metropolitana de Chile. **Materiales y métodos:** Se amplificaron 40 muestras de 28 comunas, para la región D-Loop del ADN mitocondrial con los partidores F(mt) y P(mt), se secuenciaron 421pb. Se analizaron con el programa MEGA 6. **Resultados y discusión:** Se identificaron 164 sitios conservados y 256 sitios polimórficos. Se obtuvieron 34 haplotipos, 3 compartidos, con una diversidad haplotípica de 0.99. A pesar del pequeño tamaño de la muestra, se encontraron altos niveles de diversidad génica y haplotípica, lo que estarían sugiriendo tamaño poblacional grande y flujo génico entre estas poblaciones. **Conclusión:** Estos resultados sugieren que las poblaciones de *T. brasiliensis* en la zona de estudio se comportan como una metapoblación, esto debe considerarse al generar estrategias para el control de posibles brotes de rabia, considerando que bajo esta estructura poblacional la erradicación de colonias puede ser contraproducente.



MC17 - Estudio descriptivo de las alteraciones y patologías en aves silvestres registradas en centros diagnósticos de la región Metropolitana.

Hidalgo H¹, Quiroga M¹

¹Laboratorio de Patología Aviaria, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. Santiago, Chile.

Objetivos: Aportar información sobre la condición sanitaria de las aves silvestres de vida libre (ASL) y las aves silvestres en cautividad (ASC), por medio del análisis de las alteraciones y patologías descritas en los registros clínicos de tres centros diagnósticos de la Región Metropolitana, durante un periodo de 15 años. **Materiales y métodos:** 2.093 Registros de Fichas clínicas obtenidas en: (1) Laboratorio de Patología Aviaria, de la Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile (LPA), (2) Sección Salud Animal del Zoológico Nacional, Parque Metropolitano de Santiago (ZOO), (3) Estación Cuarentenaria del Servicio Agrícola Ganadero, Lo Aguirre (SAG). Se recopiló y homologó la información de los registros, para su posterior análisis de frecuencias, a través de una planilla de Microsoft Office Excel 2003-2007, que agrupó las variables definidas del estudio. **Resultados y discusión:** Del análisis de los registros de las 2.093 fichas validadas, se obtuvo la participación en frecuencias de las siguientes variables definidas: Centro diagnóstico: 59% ZOO, 23% LPA, 18% SAG. Tipo de ave silvestre: 62% ASC, 38% ASL. Orden taxonómico: 32% Psitaciforme, 12% Falconiforme, 9% Galliforme. Clasificación diagnóstica: 42% No infecciosa, 39% Infecciosa, 19% Indeterminada. Uso de examen en el diagnóstico: 53% SI, 47% NO. Tipo diagnóstico registrado: 13% Presuntivo, 87% Definitivo. Clasificación No Infecciosa: 62% Traumática, 13% Nutricional alimentaria, 12% Conductual, 10% Manejo, 2% Tóxica. Clasificación Infecciosa: 41% Bacteriana, 26% Viral, 19% Parasitaria, 11% Fúngica, 3% Tumoral. Clasificación Indeterminados: 30% Patologías gastrointestinales, 17% Patologías respiratorias, 16% shock multisistémico, 12% gota. **Conclusión:** Los registros clínicos de las alteraciones y patologías en aves silvestres reconocen como casos infecciosos a salmonelosis, psitacosis, clostridiosis, difterovirus, Enfermedad de Newcastle lentogénico, polyomavirus, ascaridiasis, histomoniasis, aspergilosis, candidiasis, entre otros. Entre los casos no infecciosos se reconocen mayormente casos de fracturas, inanición, canibalismo, stress, intoxicación por raticidas y en los casos indeterminados se evidencia una alta casuística de las alteraciones que agrupan los sistemas gastrointestinal y respiratorio.



MC20 - Hacia una producción sostenible de ganado ovino: Oportunidades para reducir el conflicto ganado-carnívoros.

Zorondo-Rodríguez, F.^{1,2}, Simonetti-Grez, G.², Stipicic, G.^{2,3}, Moreira, D.², Simonetti, J.A.^{1,2}

¹Facultad de Ciencias, Universidad de Chile, Santiago. ²Asociación Kauyeken, Santiago. ³Estancia Anita Beatriz, Isla Riesco.

fzorondo@u.uchile.cl

Introducción: La depredación por carnívoros nativos sobre ganado ovino implica pérdidas económicas y persecución de los carnívoros. Reducir este conflicto favorece una gestión sostenible de la ganadería, acorde a las Metas Aichi. Prácticas de manejo según el tipo de ambiente donde se desarrolla ganadería serían clave para reducir la depredación. **Objetivos:** Evaluar el efecto de la diversidad de ambientes existentes en las estancias y la gestión del ganado, sobre el impacto percibido por los ganaderos de la depredación por carnívoros nativos. **Materiales y métodos:** El impacto sobre ganado corresponde a la proporción de ovejas depredadas en estancias de Isla Riesco, Región de Magallanes y Antártica Chilena, en relación a la composición y superficie de bosques, matorral, pradera, turberas, y cuerpos de agua en cada estancia, y al tipo de control y vigilancia del ganado, incluyendo cuidado por perros pastores, protección en corrales, rotación de campos, e instalación de cercos eléctricos. Mediante cuestionarios de auto-reportes, en Mayo 2014 estimamos la depredación durante 2013 y 2014. Los datos corresponden a percepciones, aproximación de medida de impacto y, por tanto, real del conflicto con carnívoros nativos. **Resultados y discusión:** El impacto sobre ganado aumenta mientras mayor es la diversidad de ambientes (Coeficiente OLS=0,094, $t=2,66$, $p=0,02$). El control letal, empleado por sí solo, no genera una reducción en la proporción de ganado depredado ($U=0,95$, $p=0,35$). Controlando por diversidad de ambientes, el empleo simultáneo de dos o más medidas está significativamente asociado a una reducción del impacto percibido sobre el ganado (Coeficiente OLS= -0,02, $t= -2,14$, $p= 0,05$). **Conclusión:** Un análisis jerárquico de opciones de gestión ganadera es necesario para avanzar en diseñar prácticas ganaderas sostenibles con baja depredación evitando el conflicto con carnívoros nativos.

Agradecimientos: Fondo Apoyo a la Investigación, Facultad de Ciencias, Programa Domeyko-Biodiversidad, Universidad de Chile, y Estancia Anita Beatriz.



MC21 - Identificación de *Bolbosoma capitatum* en intestino de falsas orcas (*Pseudorca crassidens*) varadas en el Estrecho de Magallanes.

Dougnac, C.¹, Arredondo, C.¹, Briceño, C.¹, Blank, O.², Pardo, C.³, Haro, D.⁴, Cáceres-Sáez, I.⁵, Cifuentes, C.⁶, Fredes, F.¹

¹Departamento de Medicina Preventiva Animal, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile, Av. Santa Rosa 11735, La Pintana, Santiago. ²Clínica Veterinaria Timaukel. ³Universidad Católica. ⁴Facultad de Ciencias, Universidad de Chile. ⁵Museo Argentino de Ciencias Naturales Bernardino Rivadavia. ⁶Universidad Mayor.

catherine.dougnac@gmail.com

Objetivos: Confirmación e identificación molecular de acantocéfalos de falsas orcas (*Pseudorca crassidens*). **Materiales y métodos:** En 2013 vararon 46 *P. crassidens* en caleta Susana, Estrecho de Magallanes (52°39'12''S, 70°19'57''O). Se realizó necropsia a siete individuos, encontrándose una severa infección parasitaria intestinal. Macroscópicamente se reconocieron como acantocéfalos y se realizó confirmación molecular mediante amplificación de un segmento de ~1800pb del *18s rDNA* (5'-AGATTAAGCCATGCATGCGTAAG-3' y 5'-TGATCCTTCTGCAGGTTACCTAC-3') (Verweyen *et al.*, 2011). Se extrajo y purificó DNA desde un helminto por animal utilizando un kit comercial (Roche®). Posteriormente, se envió a secuenciación en duplicado luego de purificar con Wizard SV Clean-Up® (Promega). Las secuencias obtenidas fueron procesadas con Mega6 y mediante BLAST (GenBank) se analizó el resultado, comparando con la información disponible en línea. **Resultados y discusión:** Este género de helmintos es común en grandes odontocetos, y *B. capitatum* ya ha sido descrito causando infecciones severas (600 m⁻¹ de intestino) en falsas orcas en Australia, Brasil, EEUU y Canadá. Aunque en este estudio se encontró mayor similitud genotípica con *B. vasculosum*, estos son morfológicamente muy diferentes, y dicha similitud se debería a que no existen registros para *B. capitatum* en GenBank. Esta situación ha sido previamente discutida, ya que pocos investigadores realizan estudios moleculares, perdiéndose valiosa información. Por otro lado, el parasitismo, pese a no ser la causa directa del varamiento, muy probablemente al presentarse en altas cargas, pueda, junto a otros factores, predisponer a estos eventos. **Conclusión:** Se identifica por primera vez *Bolbosoma capitatum* en *P. crassidens* de aguas chilenas, y se obtiene la primera secuencia para este acantocéfalo.

Agradecimientos

Armada de Chile, INACH, CEQUA, SERNAPESCA, Ricardo Matus, Nathasha Hadow, Tamara Martínez, Carolina Calabró, Sr. Ivelic, FONDECYT 1110255.



MC22 - Interacción de pescadores artesanales con tortugas marinas en bahía salado, Región de Atacama.

Cortés, V.^{1,2}, Álvarez-Varas, R.¹,

¹ONG Qarapara Tortugas Marinas Chile, Santiago, Chile. ²Laboratorio de Ecología de Vida Silvestre, Facultad de Ciencias Forestales y Conservación de la Naturaleza, Universidad de Chile. Santa Rosa 11315, La Pintana, Santiago, Chile.

vale.cortesc@gmail.com

Introducción: En el norte de Chile se han identificado al menos cinco áreas de alimentación de *Chelonia mydas* (tortuga verde), especie costera catalogada En Peligro de Extinción (UICN). Bahía Salado, ubicada en la Región de Atacama, corresponde al sitio de alimentación más austral para esta especie en el Pacífico Oriental. La pesca incidental (bycatch) es una de las principales amenazas para *C. mydas* y aunque en Chile se han llevado a cabo estudios sobre la interacción de tortugas con actividades pesqueras, éstos han abordado principalmente la pesca industrial, existiendo poca información sobre el impacto de la pesca artesanal. En el marco de un Fondo de Protección Ambiental, actualmente la ONG Qarapara Tortugas Marinas Chile ejecuta el proyecto “Conociendo y protegiendo a las tortugas marinas y su hábitat en Bahía Salado, Región de Atacama”. **Objetivos:** Uno de los objetivos de este proyecto busca evaluar el grado de interacción entre la pesca artesanal y las tortugas marinas. **Materiales y métodos:** En mayo de 2014 se realizaron encuestas semiestructuradas a 43 pescadores de seis caletas adyacentes a Bahía Salado. **Resultados y discusión:** De los pescadores encuestados, un 92% expresó haber visto tortugas en la zona, de los cuales 52% identificó a través de fotografías a *C. mydas*, registrándose también avistamientos de las otras especies presentes en Chile. Un 40% aseguró haber tenido pesca incidental de tortugas, 71% de ellos expresó que eran inmediatamente devueltas al mar cuando caían en las redes. Finalmente, el 93% reconoció que las tortugas marinas necesitan protección a nivel nacional. **Conclusión:** Nuestros resultados sugieren que en parte de la costa de Atacama existe un alto grado de bycatch de tortugas marinas en pesquerías artesanales, lo que resalta la necesidad de establecer un plan de monitoreo y un programa de manejo regional en un corto plazo, que incorpore tanto investigación como actividades de educación ambiental.



MC23 - Monitoreo de dos virus RNA de relevancia global en una población remota y amenazada de albatros de ceja negra (*Thalassarche melanophrys*).

Del Río, J.¹, Vila, A, R.², Uhart, M.³, Matus, R.⁴, Bravo, N.¹, Neira, V.¹, Briceño, C.¹

¹Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. Av. Santa Rosa 11.735. La Pintana, Santiago, Chile. ²Wildlife Conservation Society-Chile, Av. Bustamante 144, Depto. 42, Santiago, Chile. ³One Health Institute, School of Veterinary Medicine, University of California, Davis, EEUU. ⁴Natura Patagonia, Km 7 Sur, Punta Arenas, Chile. crystalbricenou@u.uchile.cl

Introducción: En Islote Albatros, ubicado en el Seno Almirantazgo del lado chileno de Tierra del Fuego, se encuentra una de las pocas colonias reproductivas de albatros de ceja negra (*Thalassarche melanophrys*) ubicando a Chile segundo en abundancia para la especie. Como depredador tope y con áreas de alimentación muy amplias, esta especie amenazada es considerada un excelente centinela oceánico. **Objetivos:** Determinar la presencia de patógenos virales en albatros de ceja negra, provenientes de la colonia de Islote Albatros. **Materiales y métodos:** Se analizaron muestras de 22 ejemplares obtenidas entre los años 2010 y 2012. Las muestras se sometieron a análisis para la identificación directa e indirecta del virus de Influenza aviar y directa en el caso del paramyxovirus tipo 1, causante de enfermedad de Newcastle. El estudio se efectuó en el Laboratorio de Virología, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias de la Universidad de Chile e incluyó 19 muestras de suero y 22 torulados cloacales. En una primera etapa se inocularon huevos embrionados con pools de muestras cloacales para aislamiento viral. Luego de 72 horas, se extrajo líquido alantoideo de los huevos y se lo analizó por hemoaglutinación. Complementariamente, se realizó PCR en tiempo real para amplificar e identificar RNA viral. Por otra parte, los sueros fueron analizados mediante Elisa, utilizando el kit IDEXX AI MultiS - Screen AbTest, para detectar anticuerpos contra el virus de Influenza aviar. **Resultados y discusión:** No se logró aislamiento viral ni evidencia serológica de exposición al virus de Influenza aviar, lo que sugiere que la población estudiada no ha sido expuesta a dicho virus. Asimismo, la no detección de paramyxovirus tipo 1 indicaría que las aves no lo estaban eliminando al momento del muestreo.

Agradecimientos: Agradecemos el apoyo de D. Droguett, C. Silva Quintas, J. Arata, B. Caceres, C. Moraga, A. Eyer, R. Cudney, C. Dougnac, J. Acevedo, J. Cabello, M. Chacón, I. Martínez, SAG y Cuerpo Militar del Trabajo.



MC24 - Nuevos reportes de piojos (*Phthiraptera*) en garzas de Chile (*Ciconiiformes, Ardeidae*).

Fuentes, D.¹, Cicchino, A². y González-Acuña, D¹.

¹Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción, Casilla 537, Chillán, Chile.

²Universidad Nacional de Mar del Plata, Argentina. danigonz@udec.cl

Objetivos: Contribuir al conocimiento de la phthirapterofauna en aves del orden ardeidae de Chile. **Materiales y métodos:** Se buscaron piojos en aves depositadas en la colección del Museo Nacional de Historia Natural, aves que fueron capturadas entre los años 1933 y 2014, además se extrajeron piojos desde, aves que llegaron al Centro de Rescate de la Universidad de Concepción y también de necropsias realizadas a aves encontradas muertas. Los Phthiraptera encontrados fueron extraídos con pinzas anatómicas y preservados en alcohol al 70% para su posterior montaje e identificación. Las aves analizadas fueron garza cuca *Ardea cocoi* Linnaeus, 1766, garza grande *Ardea alba* Linnaeus, 1758, garza chica *Egretta thula* Molina, 1782, garza boyera *Bubulcus ibis* Linnaeus, 1758 y huairavo *Nyctocorax nyctocorax* Linnaeus, 1758. **Resultados y discusión:** Los piojos encontrados en garza cuca correspondieron a las especies *Ciconiphilus decimfaciatus* Boisduval & Lacordaire, 1835 procedentes de Chillán y Pemuco; en garza chica de Curacaví se colectó a *Physconelloides sp.* Ewing, 1927 y *Ardeicola expallidus* Blagoveshtchensky, 1940; en garza grande procedente de Colchagua se encontró *C. decimfaciatus* y en un espécimen del Museo Nacional de Historia Natural se encontró *A. expallidus*; en garza boyera procedente de Chillán se aisló *A. expallidus* y en huairavo la especie *Ardeicola goisagi* Uchida, 1953 en Chillán, Santiago, Quilicura y Maullín, *A. expallidus* procedente de un ave de Curacaví y *C. decimfaciatus* de un huairavo de Santiago. **Conclusión:** Todos los piojos encontrados representan nuevos registros para ardeidos chilenos y asimismo nuevos representantes para la biodiversidad de Chile.

Agradecimientos: Fondecyt 1130948



MC25 - Ocurrencia genética de virus polyoma aviar y virus de la enfermedad del pico y pluma de las psitácidas en aves psitácidas en Chile.

González-Hein G¹, Huaracán, B.¹

¹Bioingentech. Paseo Bulnes 107 of 57, Santiago. Salas 350 Piso 2, Concepción.
info@bioingentech.com

Introducción: Entre las enfermedades virales más comunes en psitácidas está la generada por el virus polyoma aviar (APV) y el virus de la enfermedad del pico y plumas de las psitácidas (PBFdv). Ambos virus generan manifestaciones clínicas similares caracterizadas por alteración en las plumas. **Objetivos:** Determinar la ocurrencia APV y PBFdv en aves psitácidas en cautiverio en Chile. **Materiales y métodos:** Se analizaron 222 muestras plumas de psitácidas (17 géneros) entre enero y junio de 2014 procedentes de la II a VIII Región del país. APV y PBFdv fueron detectadas a partir del cálamo de la pluma por medio de la prueba de reacción en cadena de la polimerasa. Para controlar resultados falsos negativos, un segmento del gen RNA 18S ribosomal fue también amplificado en la totalidad de las muestras (amplicón:140 pb). **Resultados y discusión:** El 1,8% (4/222) de las muestras fueron positivas a APV y 25,2% (56/222) fueron positivas a PBFdv. Los resultados también indican que el 0,9 % (2/222) de las muestras presentaron coinfección por APV y PBFdv. El 10,8% (24/222) de las plumas presentó algún tipo de alteración (hemorragia en cavidad de la pulpa, constricción, retardo crecimiento) y el 89,2% (198/222) tuvo una apariencia normal. No hubo diferencias significativas según el aspecto de la pluma al comparar la infección por APV ($P>0,05$), mientras que la proporción de aves PBFdv infectadas y no infectadas difirió estadísticamente al comparar el aspecto de las plumas ($P<0,05$). El 21,2% de las aves PBFdv infectadas presentaron plumas aparentemente normales, esto enfatiza la necesidad de detectar las infecciones subclínicas como parte del control de PBFdv. **Conclusión:** Se evidencia una alta frecuencia de aves infectadas con el PBFdv, que sumado también al hallazgo de detección de APV, hace que sea necesario implementar programas de monitoreo y sistemas de bioseguridad en los aviarios de aves exóticas nacionales.



MC26 - Patrones de infestación de piojos (Insecta: Phthiraptera) en roedores del Norte Grande de Chile.

Figueroa, C¹., Moreno, L²., C. Landaeta¹, y González-Acuña, D¹.

¹Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción, Chillán, Chile. ²Facultad de Ciencias Naturales y Oceanográficas, Universidad de Concepción, Concepción, Chile.

cecilfigueroa@udec.cl

Objetivos: Evaluar las variaciones espaciales (ecorregiones) y estacionales en la prevalencia (P), intensidad media (IM) y abundancia media (AM) de las comunidades de piojos asociados a roedores del norte de Chile, se visitaron estacionalmente, durante dos años, 13 localidades pertenecientes a cuatro ecorregiones: Desértica Costera; Desértica Interior; Tropical de Altura y Tropical Marginal. **Materiales y métodos:** Para la extracción de los piojos, los roedores fueron capturados mediante trampas Sherman y sedados con Ketamina-Xilacina 2%. Para cada ecorregión y estación se calculó P y AM de cada especie de piojo recolectado, las que fueron comparadas mediante Regresiones logísticas, pruebas de Fisher y Bootstrap. Se reportan resultados con significancia $p \leq 0,05$. **Resultados y discusión:** Se capturaron 994 roedores, correspondientes a 22 especies. El 25,3% de los roedores estuvo parasitado por piojos ($n=938$) anopluros de las especies *Hoplopleura aitkeni* ($n=491$), *H. reducta* ($n=387$), *H. andina* ($n=30$) y *Polyplax spinulosa* ($n=30$). La especie con mayor P% (15,7) y AM (0,47) fue *H. aitkeni* aislada desde 13 especies de roedores. Para esta especie en *Phyllotis magister* se encontró la mayor P% en las estaciones de invierno y primavera. En la ecorregión TM se encontró la mayor P% y AM. *Hoplopleura reducta* fue aislada desde 9 especies de roedores, observándose diferencias de P% entre hospedadores en distintas estaciones y diferencias significativas de P%, AM e IM en la ecoregión TM. *Hoplopleura andina* fue recolectada en 10 especies de roedores, la mayor P% fue en otoño en *P. magister* (22,2%) y en la TA en *A. albiventer* (5,3%). Finalmente, *Polyplax spinulosa* fue aislado en dos especies de roedores introducidos, *Rattus norvegicus* y *R. rattus* desde la ecorregión DI. No se observó diferencias entre estaciones y ecorregiones para este piojo. **Conclusión:** Existen diferencias estacionales y espaciales en la P, AM e IM de Phthiraptera en roedores del norte de Chile

Agradecimientos: A la Corporación Nacional Forestal, al Servicio Agrícola y Ganadero. Estudio financiado por el proyecto Fondecyt n°1130948.



MC29 - Pesquisa de parvovirus canino y felino mediante la técnica de PCR en félidos silvestres de tres zoológicos de Chile.

Febrero D.¹, Hidalgo E.², Carrasco L.³, Ortega R.¹

¹Departamento Patología y Medicina, Facultad Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción. ²Buin Zoo, Región Metropolitana.

reortega@udec.cl

Objetivo: Determinar el estatus de infección con parvovirus canino/felino mediante PCR en felinos silvestres cautivos en tres parques zoológicos de la Región Metropolitana y V Región, Chile. **Materiales y métodos:** Se analizaron 30 muestras de sangre y 26 muestras heces de felinos de distintas especies en cautiverio clínicamente sanos, del Buin Zoo, Zoológico de Quilpué y el Zoológico Metropolitano. El procesamiento de éstas se realizó en el Laboratorio de Virología y Biología Molecular del Departamento de Patología y Medicina Preventiva de la Universidad de Concepción, Campus Chillán. Los partidores utilizados amplifican 83 pares de bases (bp) de la región del gen VP2 de FPV y CPV, descritos por Decaro *et al.* (2008). Se incluyeron en la estandarización muestras del Hospital Veterinario Chillán para validar el diagnóstico de parvovirus canino/felino por PCR. Como control positivo se utilizó una muestra tejidos de canino con signología de Gastroenteritis hemorrágica y diagnóstico positivo a ELISA para parvovirus y como control negativo una muestra de canino sano y negativo a ELISA para parvovirus. **Resultados y discusión:** Al análisis por la técnica de PCR, el 100% de las muestras de sangre y de heces fueron negativas a parvovirus felino/canino. Este tipo de resultado también fue obtenido por Duarte *et al.*, (2012), en gatos monteses. Aunque diversos análisis realizados por PCR en felinos silvestres han sido positivos desde animales vivos o muertos con sintomatología de la enfermedad (Mochizuki *et al.*, 1996, Steinel *et al.*, 2000, Duarte *et al.*, 2009, Wasieri *et al.*, 2009, Demeter *et al.*, 2010, Sassa *et al.*, 2011), a diferencia de este estudio en donde las muestras fueron tomadas desde animales sanos. **Conclusión:** En los felinos silvestres en cautiverio analizados por PCR no se encontró la presencia de parvovirus felino/canino.

Agradecimientos: Parques zoológicos Buin Zoo, Zoológico Metropolitano y Zoológico de Quilpué.



MC30 - Primer aislamiento de *Mycobacterium avium* subsp. *Paratuberculosis* (MAP) a partir de materia fecal de Huemul (*Hippocamelus bisulcus*) en la Patagonia chilena.

Moreira R.¹, Durán K.¹, Salgado M.², Avilez C.², Corti P.³

¹Universidad Santo Tomás (UST); ²Laboratorio de Paratuberculosis; ³Instituto de Ciencia Animal y PIAFS, Universidad Austral de Chile. ²Edificio Instapanel, Campus Isla Teja, Valdivia.

miguelsalgado@uach.cl

Objetivo: Aislar MAP a partir de heces de huemul, ciervo clasificado en peligro por la declinación de sus poblaciones, como evidencia de presiones antrópicas por ganadería en una zona remota de Chile en donde la paratuberculosis aún no ha sido informada. **Materiales y métodos:** Se recolectó 14 pooles de heces desde estercoleros de huemules, ubicados en tres valles periglaciares del Parque Nacional Bernardo O'Higgins (marzo-abril 2014). Las muestras de heces fueron cultivadas en el sistema BACTEC-MGIT 960 para la detección de MAP. Los cultivos positivos fueron confirmados molecularmente como MAP por qPCR IS900. **Resultados y discusión:** Del total de muestras, siete mostraron cultivos positivos confirmados. Este estudio representa la primera evidencia de detección bacteriológica de MAP en huemules en Chile. La hipótesis más plausible para explicar la presencia de MAP en estas poblaciones es la transmisión por contacto con ganado vacuno posiblemente infectado, introducido ilegalmente en 1991 en esta área. **Conclusión:** El presente hallazgo representa el primer aislamiento de MAP en una zona remota que concentra las mayores poblaciones de huemul en condiciones prístinas. También, se expande el rango geográfico de la paratuberculosis a nivel nacional y de la diversidad de especies silvestres que pueden infectarse con MAP en Chile.

Agradecimientos: Al personal de CONAF-Magallanes, Rafael Contreras, Jorge Pérez, José Paredes, Fredy Paredes, Fabián Godoy, Héctor Galaz, Scharon Zegarra, Guillermo Igor, Víctor Muñoz, María Isabel Tonkoy. P. Corti financiado por CONICYT 7912910016. K. Durán financiada por Universidad Santo Tomás.



MC31 - Primer registro de parásitos respiratorios *Syngamus trachea* (Montagu, 1811) y *Cyathostoma* sp. (Blanchard, 1849) en aves silvestres: cormorán imperial (*Phalacrocorax atriceps*) y lechuza (*Tyto alba*).

Oyarzún-Ruiz P.¹, Muñoz P.¹

¹Unidad de Parasitología Veterinaria, Facultad de Medicina Veterinaria, Universidad Austral de Chile, sede Valdivia.

pablooyarzunruiz@gmail.com

Objetivo: Contribuir al conocimiento de los parásitos respiratorios en las aves chilenas, de los cuales existe escaso conocimiento. **Material y métodos:** En la Unidad de Parasitología Veterinaria se realizó la necropsia de un cormorán imperial (*Phalacrocorax atriceps*) proveniente de Calbuco, Región de Los Lagos, y de dos lechuzas (*Tyto alba*), provenientes de Valdivia, Región de Los Ríos. Los nematodos aislados fueron diafanizados e identificados bajo microscopía óptica y confirmados por morfometría. **Resultados y discusión:** Para el cormorán imperial, se aislaron tres nematodos desde la tráquea, dos se encontraban en una disposición de “Y”, característico del nematodo *Syngamus trachea* (Montagu, 1811), mientras que el restante era un macho de esta misma especie. La mucosa traqueal estaba levemente congestiva y con lesiones petequiales, además de un contenido espumoso. En una lechuza se detectaron un total de 28 nematodos distribuidos en los sacos aéreos, los que presentaban un aspecto opaco y contenido mucoso. En la segunda rapaz, se detectaron 5 nematodos, los que se encontraron libres en la cavidad celómica asociados a contenido hemorrágico. Estos vermes fueron clasificados como *Cyathostoma* sp. (Blanchard, 1849). Las lesiones detectadas en ambas especies aviares fueron probablemente causadas por los parásitos. *Cyathostoma* sp. ha sido aislado previamente en aves rapaces desde sacos aéreos y pulmones, mientras que *Syngamus trachea* ha sido aislada principalmente en galliformes desde la tráquea. **Conclusiones:** La especie *S. trachea* es reportada por primera vez en Chile y para el caso de *Cyathostoma* sp., este es el primer reporte en una rapaz en nuestro país. En las aves examinadas se encontraron lesiones asociadas a la presencia de los parásitos, por lo que estos podrían constituir agentes patógenos del sistema respiratorio. Además para el caso de una lechuza se encontraron *Cyathostoma* sp. libres en la cavidad celómica, indicativo de posible penetración desde el respiratorio o bien como parte de su ruta de migración hacia éste.



MC32 - Primer registro a nivel específico de *Trichinella spiralis* genotipo T1 en Puma concolor en Chile.

Gatti G.M.¹, Krivokapich S.¹, Rivera-Buckle V.¹, Sandoval D.², González-Acuña D.², Martín N.²,
Landaeta-Aqueveque C.²

¹ Departamento de Parasitología, Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas, Administración Nacional de Laboratorios e Institutos de Salud, “Dr. Carlos G. Malbrán”, Buenos Aires, Argentina. ² Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción, Chile. Vicente Méndez 595, Casilla 537. Chillán.

clandaeta@udec.cl

Objetivo: Documentar por primera vez la identificación a nivel específico de *Trichinella spiralis* Owen, 1835 en un puma (*Puma concolor puma* Linnaeus, 1771) en Chile. **Materiales y métodos:** Mediante triquinoscopía y digestión artificial se buscaron parásitos en el diafragma de un puma que murió atropellado en marzo de 2014 en la comuna de Quilleco, Región del Biobío. Se realizó la purificación de ADN de las larvas aisladas y se efectuó la identificación molecular a nivel específico mediante Multiplex PCR de regiones variables del ADN ribosomal nuclear. **Resultados y discusión:** Se encontró un promedio de 1,5 larvas por gramo de músculo analizado. Las larvas musculares evidenciaron la presencia de cápsula de colágeno. El análisis molecular permitió identificarlas como correspondiente a la especie *T. spiralis* (genotipo T1). La actual taxonomía del género *Trichinella* incluye 12 genotipos, nueve de éstos han sido reconocidos como especies, entre las cuales, *T. spiralis* corresponde al genotipo T1. Fenotípicamente sólo se pueden identificar los dos grandes clados, larvas encapsuladas y no encapsuladas. La identificación específica se logra mediante análisis moleculares. En Chile, éste es el primer registro con identificación molecular de la especie *T. spiralis* en fauna nativa. Estudios previos han reportado *T. spiralis* en cerdo y ratas sinantrópicas. En el ámbito silvestre existe un reporte de *Trichinella* en puma, sin identificación de la especie, y un caso de trichinellosis humana asociada al consumo de jabalí. En Argentina se ha identificado a *T. spiralis* y *T. patagoniensis* (T12) en pumas. La presencia de *T. spiralis*, parásito introducido mediante animales domésticos, en el puma, no sólo tiene relevancia para la salud humana, al actuar éste como posible reservorio, sino también desde el punto de vista de la conservación de dicho mamífero. **Conclusión:** Se reporta por primera vez, y con evidencias moleculares, la presencia de *T. spiralis* en fauna nativa de Chile.

Agradecimientos: Al Servicio Agrícola y Ganadero, Provincia del Biobío, por la entrega del espécimen para realizar el estudio.



MC35 - Rol del enriquecimiento ambiental en el desarrollo de competencias en polluelos de *Larus dominicanus*, Talcahuano, Chile.

Aravena P.^{1,2,3}, Godoy R.², Cid S.², Arrey P.¹

¹ Centro Transitorio de Avifauna Marina (CTAM). ² Organización para la Conservación de Aves Silvestres (OCAS). ³ Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción.

paularavena@udec.cl

Introducción: El 56% (n=26) de los ingresos al Centro Transitorio de Avifauna Marina (CTAM) durante el periodo estival 2014, correspondió a polluelos (17%) y juveniles (39%) de *Larus dominicanus*. **Objetivo:** Evaluar el rol del enriquecimiento ambiental en el desarrollo de competencias en polluelos de *Larus dominicanus*. **Material y métodos:** Las aves fueron sometidas a enriquecimiento ambiental de tipo alimenticio, social, ocupacional, físico y sensorial. Se evaluó la presencia y frecuencia de comportamiento exploratorio, alimentación, acicalamiento, agresión y descanso, mediante observación directa. Los ejemplares con plumón fueron dejados en una jaula exterior (10x5x5m) con agua, comida, refugio y sustrato de paja (80%), arena (18%) y piedras (2%). La alimentación se basó en solución salina con pescado y vitaminas administrados desde el exterior. Los volantones fueron trasladados a una jaula de 36x10x10m, con sustrato de arena (51%), cubierta vegetal (42%) y piedras (7%), además de una piscina (60m³) y dos refugios, y fueron alimentados con pescado y vitaminas, otorgado desde el exterior o escondido entre piedras y vegetación. Las jaulas fueron rodeadas con maya Raschel® negra y se redujo al mínimo el contacto con personas, y siempre contaron con sonido ambiental natural dada la cercanía con la costa de Talcahuano. **Resultados y discusión:** El 96% de los ejemplares sobrevivió exitosamente ($p < 0.05$), con un tiempo promedio de permanencia en CTAM de 60 días. Las aves se relacionaron socialmente, con desarrollo físico y condición corporal normal. No se evidenció pérdida anormal de plumas, ni estereotipias. Todos los eventos agonísticos respondieron a competencia por alimento y no provocaron daños permanentes. Las aves fueron liberadas una vez que destinaron $\geq 37\%$ del día en actividades de vuelo, exploratorias o búsqueda de alimento. Sólo un ejemplar de 60 días de edad, habiendo sido criado como mascota, no respondió positivamente. **Conclusión:** El enriquecimiento ambiental con mínimo contacto humano es un positivo complemento de los planes de rehabilitación de polluelos de *L. dominicanus*, permitiéndoles adquirir competencias para la socialización y búsqueda de recursos.



MC36 - Seroprevalencia de distemper, parvovirus y parásitos gastrointestinales en zorros de vida libre en la región de la Araucanía.

Acosta-Jamett G.¹, Briceño C.^{2,3}, Muñoz P.⁴, Surot D.², Vallverdu A.¹, Knapp L.A.³

¹ Instituto de Medicina Preventiva Veterinaria y Programa de Investigación Aplicada en Fauna Silvestre, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Austral, Casilla 567, Valdivia, Chile. ² Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. ³ Primate Immunogenetics and Molecular Ecology Research Group (PRIME), Biological Anthropology Department, University of Cambridge. ⁴ Instituto de Patología Animal. Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Austral.

gerardo.acosta@uach.cl

Objetivo: Determinar la exposición a distemper (CDV), parvovirus (CPV) canino y la infestación por parásitos gastrointestinales en zorros de vida libre. **Materiales y métodos:** El muestreo se realizó en los Parques Nacionales de Nahuelbuta y Conguillío y en los alrededores de la zona de Gorbea en la región de la Araucanía entre los años 2010 y 2012. Se capturaron 40 zorros (4 zorros de Darwin, 21 chillas y 15 culpeos) y se analizaron muestras de sueros, para determinar seropositividad a CDV y CPV mediante el test ELISA IgG ImmunoComb®. Además, en estas mismas áreas se recolectaron fecas frescas desde el suelo y de animales capturados (n=103), las cuales fueron conservadas en etanol al 70%. Las muestras obtenidas desde el suelo fueron analizadas mediante PCR para determinar la especie de origen. **Resultados y discusión:** Ningún zorro de Darwin fue positivo a CPV o CDV y se observó una prevalencia de 5% y 27% de chilla y culpeo a CPV y de 14% y 7% a CDV. Combinadas se observaron 5 y 4 muestras positivas a CPV y CDV, con seroprevalencias de 12.5% y 10%, respectivamente. Se detectaron huevos de 9 diferentes formas parasitarias, siendo las principales *Toxocara canis*, *Capillaria sp.* y *Taenia sp.* **Conclusión:** Se detecta la presencia de anticuerpos contra CPV y CDV y se detectan diferentes especies de parásitos siendo las tres principales *Toxocara canis*, *Capillaria sp.* y *Taenia sp.*

Agradecimientos: FONDECYT N° 11100303, DID-UACH.



MC37 - Sexaje genético del loro Amazona (*Amazona spp.*).

Huaracán B.¹, González-Hein G.¹

¹Bioingentech. Paseo Bulnes 107 of 57, Santiago. Salas 350 Piso 2, Concepción.

info@bioingentech.com

Introducción: Los loros Amazona, orden *Psittaciformes*, son aves nativas de América y son muy populares como aves mascotas y entre criadores. En estas aves no existe dimorfismo sexual. Si bien las hembras suelen tener cabeza y pico más pequeños que los machos, esto no ocurre siempre. **Objetivo:** Determinar molecularmente el sexo de loros Amazona (*Amazona aestiva*, *Amazona ochrocephala* y *Amazona mazónica*). **Materiales y métodos:** Se analizaron muestras de plumas 12 loros Amazona provenientes de Chile y Curazao. A partir del cañón de las plumas se extrajo el DNA, para luego llevar a cabo la amplificación del gen CHD1W y CHD1Z mediante PCR convencional, utilizando para ello cebadores específicos diseñados por Bioingentech. **Resultados y discusión:** Se obtuvieron seis hembras y seis machos. Al visualizar el gel, en las hembras se obtuvieron dos bandas y en los machos, una. Los cebadores diseñados por Bioingentech a través de las secuencias informadas para la especie *Ara militaris* (*Psittaciformes*) en la base de datos de genómica de Blast®, fueron también específicos para los loros Amazona y dieron amplicones de tamaño similar a los que corresponden bioinformáticamente a los del *Ara militaris*. **Conclusión:** según los resultados obtenidos, el gen CHD1 puede ser considerado como un marcador de sexo efectivo en los loros Amazona. Dado que en estas aves no hay diferencias entre los sexos, el sexaje molecular constituye una herramienta práctica y segura concebida para que criadores y tenedores de estas aves puedan identificar sus sexos, favoreciendo el bienestar y conservación de estas aves.



MC38 - Susceptibilidad a metales pesados de bacterias aisladas desde excretas del Pingüino de Humboldt (*Spheniscus humboldti*) en distintas localidades del norte de Chile.

Espejo W.¹, López-Martín J.², Celis J.E.¹, Jara W.², González-Acuña D.¹

¹Departamento de Ciencias Pecuarias, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción. ²Departamento de Patología y Medicina preventiva, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción. Universidad de Concepción, Casilla 160-C, Concepción.

winfredespejo@gmail.com

Introducción: El monitoreo de la resistencia bacteriana a los metales pesados en fauna silvestre puede ser una valiosa herramienta para evaluar el impacto de la presión antrópica. Las poblaciones del pingüino de Humboldt, representa una de las más importantes colonias de aves marinas en islas del norte de Chile. Coincidentemente, es allí donde existe una intensa actividad minera, muy cuestionada por la contaminación por metales traza de los ecosistemas marinos. **Objetivo:** Determinar y comparar las susceptibilidades bacterianas a plomo (Pb), arsénico (As), cobre (Cu), zinc (Zn) y cadmio (Cd) en bacterias aisladas de excretas desde colonias de pingüinos de Humboldt en distintas localidades del litoral nortino (Isla Pan de Azúcar, Isla Chañaral e Isla Cachagua). **Materiales y métodos:** Entre los meses de diciembre 2011 y enero de 2012, se obtuvieron 30 muestras de excretas de aproximadamente 5 g cada una, correspondientes a un pool de aves de cada colonia. Para ello, se utilizaron guantes de látex, espátulas de plástico y bolsas de polietileno Ziploc. Cada muestra fue almacenada en un contenedor con hielo hasta su llegada a laboratorio. En el laboratorio se realizaron cultivos en agar selectivos y concentración mínima inhibitoria (C.M.I) a las bacterias aisladas (*Brevundimona vesicularis*, *Chryseobacterium indologenes*, *Weeksella virosa*, *Aerococcus viridan 2*, *Enterococcus casseliflavus*, *Gemella morbillorum*, *Micrococcus luteus*, *Pasteurella haemolytica*, *Chryseobacterium indologenes*, *Enterococcus duran* y *Enterococcus faecium*.). **Resultados y discusión:** Se observó mayor susceptibilidad bacteriana a metales pesados en bacterias aisladas desde excretas de colonias de Isla Cachagua. **Conclusión:** El presente estudio demuestra que la flora gastrointestinal de los pingüinos de Humboldt que anidan en Isla Cachagua presenta una mayor resistencia a Pb y Cd. Lo que está estrechamente relacionado con la mayor actividad antropogénica observada.

Agradecimientos: Proyecto 211.154.23-1 Dirección de Investigación de la Universidad de Concepción y al Sr. Fredy Riquelme, por su importante apoyo en los análisis de laboratorio.



MC40 - Uso de marcadores genéticos en estudios ecológicos y parasitológicos: análisis fecales y el riesgo de la mal identificación de especies.

Acosta-Jamett G.¹, Briceño C.^{2,3}, Chirwin C.⁴, Contreras S.¹, Vallverdu A.¹, Knapp L.A.³

¹ Instituto de Medicina Preventiva Veterinaria y Programa de Investigación Aplicada en Fauna Silvestre, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Austral, Casilla 567, Valdivia, Chile.

² Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. ³ Primate Immunogenetics and Molecular Ecology Research Group (PRIME), Biological Anthropology Department, University of Cambridge. ⁴ Departamento de Conservación, Parque Tantauco, Chiloé.

gerardo.acosta@uach.cl

Objetivo: Comparar el grado de acierto de la identificación visual de especies mediante análisis de fecas en carnívoros silvestres con análisis genético. **Materiales y métodos:** Desde septiembre del 2010 a febrero del 2011, se recolectaron fecas frescas desde el suelo de carnívoros silvestres en el Parque Nacional Nahuelbuta (37°47' S, 72°59' W) en la región de la Araucanía y en parque privado Tantauco (43° 5' N, 73° 6' W) en la isla de Chiloé, las cuales fueron conservadas en etanol al 70%. Cada muestra obtenida fue asignada como originarias de puma, güiña, chilla, culpeo o zorro de Darwin según criterios como la zona donde se obtuvieron, contenidos de semillas, tamaño, coloración, entre otras variables. Posteriormente, las muestras fueron analizadas mediante PCR. Una región del genoma mitocondrial se amplificó utilizando un subconjunto de los cebadores descritos y propias diseñadas. Los productos de PCR fueron secuenciados por electroforesis capilar estándar y los resultados analizados mediante MEGA 5.0 y datos disponibles de las bases de datos en línea, como el GenBank. **Resultados y discusión:** En total se recolectaron 178 muestras fecales (84 y 94 en Nahuelbuta y Tantauco respectivamente). De estas solo 114 fueron asignadas genéticamente (40 y 74 en Nahuelbuta y Tantauco, respectivamente). En Nahuelbuta 22 correspondieron a zorro chilla, 16 a güiña, 1 a culpeo y 1 a puma. En Tantauco 43 correspondieron a zorro de Darwin y 31 a güiña. Al comparar la clasificación tradicional con la genética se pudo observar que las muestras habrían sido clasificadas erróneamente en un 37% y 26%, en Nahuelbuta y Tantauco, respectivamente. **Conclusión:** En general se observa que la identificación de fecas mediante el método tradicional sufre alrededor de 30% de error, lo cual puede ser relevante al momento de sacar conclusiones en estudios ecológicos y parasitológicos.

Agradecimientos: FONDECYT N° 11100303, Parque Tantauco, The Rufford Small Grant Foundation, Feline Conservation Federation, DID-UACH.



MC41 - Variación geográfica y climática de la prevalencia de infección con *Batrachochytrium dendrobatidis* en anfibios silvestres del centro-sur de Chile.

Valenzuela-Sánchez A.¹, Cunningham A.A.², Soto-Azat C.¹

¹Facultad de Ecología y Recursos Naturales, Universidad Andres Bello, República #440, Santiago, Chile. ²Institute of Zoology, Zoological Society of London, Regent's Park, London NW1 4RY, UK.

andrescv@msn.com

Objetivos: Los objetivos de este trabajo fueron: 1) describir la prevalencia de infección con *Batrachochytrium dendrobatidis* (*Bd*) en anfibios silvestres del centro-sur de Chile y 2) determinar las variables climáticas que determinan la variación geográfica en la prevalencia observada. **Materiales y métodos:** Entre 2008-2013 se realizó un muestreo en 37 sitios, totalizando 1.014 individuos muestreados. De cada individuo se obtuvo una muestra de secreción de piel utilizando un hisopo estéril, para posteriormente ser sometida a un ensayo de qPCR específico. Solo 12 sitios cumplieron con el mínimo muestreo necesario ($n \geq 33$) para una determinación adecuada de la prevalencia, ubicados entre los 33 y los 44° de latitud sur (distancia lineal de 1.194 km). Se construyeron modelos de regresión múltiple con la prevalencia por sitio como variable de respuesta y utilizando variables bioclimáticas desarrolladas por Plischoff et al. (2014) como variables predictoras. Los modelos fueron analizados mediante un "information-theoretic approach". **Resultados y discusión:** La prevalencia promedio por sitio fue de 23,2% (rango=0-70,6%). Algunas especies presentaron altas proporciones de individuos infectados: el 40,0 y el 92,6% de los individuos de *Pleurodema thaul* y *Calyptocephalella gayi* resultaron positivos, respectivamente. Solo tres modelos tuvieron algún sustento ($\omega_i > 0.01$), los que estuvieron compuestos por "máxima temperatura de verano", estacionalidad y precipitación anual como variables predictoras. El mejor modelo explicó un 70% de la variación de la prevalencia, indicando que los sitios con temperaturas extremas más altas en verano poseen una mayor prevalencia de infección por *Bd*. **Conclusiones:** El presente trabajo describe la epidemiología de la infección con *Bd* en una amplia región del centro-sur de Chile. Los modelos de variación geográfica evidenciaron algunos factores climáticos claves que se asocian con las prevalencias observadas. Esta información es esencial para el desarrollo de programas de monitoreo y control de esta importante enfermedad infecciosa emergente.



MC43 - Güiña (*Oncifelis guigna*) rescatado por Servicio Agrícola y Ganadero (SAG) y atendido en Hospital Clínico Veterinario Docente (HCVD) UST Talca.

Issotta C.¹, Astudillo M.¹, Agurto M.¹, Weinborn R.¹

¹HCVD, Facultad Recursos Naturales y Medicina Veterinaria Universidad Santo Tomás-Talca.

Once oriente 1908.

rweinborn@santotomas.cl

Introducción: La güiña es el más pequeño de los felinos neotropicales. **Objetivo:** Describir caso clínico de una güiña. **Material y métodos:** El ejemplar rescatado fue entregado 24 horas después al SAG, momento en que se presenta en HCVD. Era un macho juvenil de color típico. Se realizó examen físico, analítica sanguínea, orina e imágenes más tratamiento medicamentoso. **Resultados y discusión:** Al examen físico pesó 2.26 kg, CC 2/5, deshidratación 10%, T 32,2 °C, FC 160', FR 24', TLLC 2'', MM rosada y herida penetrante a nivel plantar derecho. En ecografía se observó imagen vesical con poco contenido, relación cortico medular disminuida. Se hospitalizó 2 días, pero debió ser eutanasiado, ya que presentó convulsiones sin respuesta. Se consideró como prediagnóstico fallo renal, siendo tratado y confirmado por la anemia no regenerativa, hiperfosfatemia, azotemia y la densidad urinaria. En cuanto a la leucopenia e hipoglobulinemia no se pudo establecer su origen, sin embargo podría suponerse de la presencia de enfermedad retroviral. **Conclusión:** en Chile, para *Oncifelis Guigna*, se describen datos ecológicos y no existen datos médicos, por lo que este trabajo describe por primera vez datos de analítica sanguínea, urianálisis y de imágenes.

Agradecimientos: A Dr. Rodrigo Villalobos (SAG Maule) y Juan Lara (Programa Pasantía HCVD).

